A HIV-1 E szubtípusának többszörös behurcolása a nyugati féltekére

Cikk: Artenstein A.W. és mtsai - Lancet, 346, 1197, 1995.

Szerzők, 11 HIV-fertőzött uruguayi katonától származó vírus genetikai analízisének eredményeit közlik (l. előző cikket). A 11 katona közül 6 az ENSZ békefenntartó csapatainak kötelékében szolgált Kambodzsában 6-14 hónapig, és nagy valószínűséggel ez alatt az idő alatt fertőződött meg heteroszexuális nemi érintkezés útján. Az ENSZ kötelékében összesen 1300 uruguayi katona szolgált. Az elutazás előtt valamennyi HIV-szeronegatív volt. A hazaérkezésüldőkor, illetve az egy hónappal később végzett kontroll-vizsgálat során 10 (0,8%) HIV-fertőzöttet találtak. Közülük került ki a jelen vizsgálatra önkéntesen jelentkezett 6 egyén. Egyikük sem volt iv. kábítószeres. A többi vizsgált 5 katona Uruguayban fertőződött meg HIV-vel, egy kivételével valószínűleg szintén heteroszexuális úton.

A genetikai analízist az un. nested PCR módszer segítségével végezték. 6 egyén esetében izolált vírust analizáltak, 5 személy esetében viszont a perifériás vér mononucleáris sejtjeiben jelenlévő HIV-DNS-t vizsgálták közvetlenül. A gp120 egyes részeinek (C2, V3-V5) DNS szekvenálása segítségével sorolták a fertőzöttekben talált HIV-törzseket az ismert szubtípusok valamelyikébe.

A Kambodzsában fertőződöttek közül 5-ben az E szubtípus, 1-ben a B szubtípus jelenlétét mutatták ki, míg a belföldön fertőződött mind az 5 katona a B szubtípust hordozta.

Uruguayban a HIV-prevalencia relative alacsony (az eddigi legmagasabb fertőzési arányt, 1,26%-ot egy montevideói STD-klinikán találták). A katonáknál a HIV fertőzés rövidded hazaérkezésük után, kötelező HIV-szűrés során derült ki, és ezután hamarosan megfelelő tanácsadásban is részesülnek. Így nem valószínű, hogy az országban domináló B szubtípus mellett, e katonáktól kitudulva, jelentősen elterjedjen az E szubtípus is. Szerzők azonban hangsúlyozzák, hogy a HIV-1 széttérjedése a világon az egyének és nagyobb népcsoportok helyváltoztatásával kapcsolatos. Mivel a Föld több régiójában is folyamatosan lehűlnek a politikai és gazdasági körülmények, a vándorlás egyre gyakoribbá válik. Ez ahhoz vezethet, hogy különböző HIV-1 szubtípusok kerülnek be olyan régiókba is, ahol eddig a járványt genetikailag aránylag homogén törzsek okozták. Szerzők, ennek egy példáját mutatták be és elemezték, hangsúlyozva, hogy erre a lehetőségre a globális HIV prevencióis stratégia kidolgozásakor

fel kell készülni.